

## 北京本轮疫情感染者基因测序发现

## 病毒均属奥密克戎变异株 BA.5.2 分支

新华社北京7月6日电(记者郭宇靖)6日举行的北京市新型冠状病毒肺炎疫情防控工作新闻发布会上,北京市疾控中心副主任庞星火介绍,7月5日0时至7月6日15时,北京市新增本土新冠肺炎病毒感染者9例。经过对7月5日通报的感染者1至3的标本进行基因测序结果显示,病毒均属于奥密克戎变

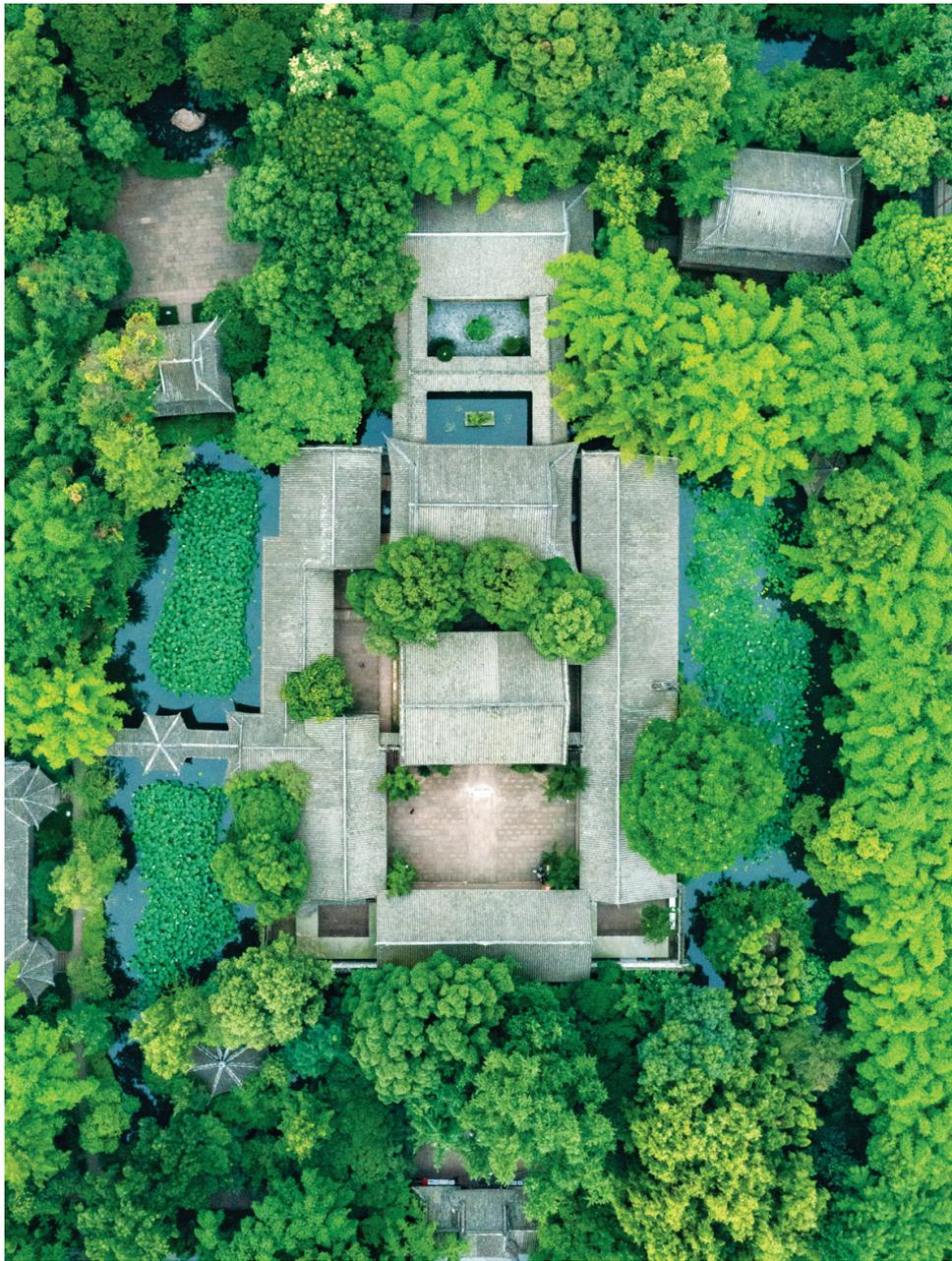
异株BA.5.2分支。

7月5日0时至24时,北京市新增本土新冠肺炎病毒感染者6例。7月6日0时至15时,北京市新增本土新冠肺炎病毒感染者3例。在9例感染者中,延庆区5例,顺义区2例、通州区1例、昌平区1例;普通型1例、轻型7例、无症状感染者1例。

庞星火介绍,北京市疾控中心实验室对7月5日通报的感染者1至3的标本进行基因测序,结果显示病毒均属于奥密克戎变异株BA.5.2分支。基因序列比对结果显示,3例感染者与北京市现有及既往本土病例、本市境外输入病例序列同源性低,为不同传播链。综合流行病学调查及基因测序结果,初步考

虑本次疫情为输入病例引起的本土聚集性疫情。

庞星火说,当前北京市疫情防控面临境外、京外输入双重风险,要毫不动摇坚持“外防输入、内防反弹”总策略和“动态清零”总方针,压紧压实“四方责任”,从严从紧抓好社会面防控。



## 三苏故里眉山

这是无人机拍摄的眉山三苏祠。

眉山,古称眉州。它是“天府粮仓”的重要组成部分,更是“三苏”——苏洵、苏轼、苏辙的故乡。“一门父子三词客,千古文章四大家”的文化传奇使眉山氤氲着深厚的文化气息。

近年来,眉山抢抓“成渝地区双城经济圈”“成德眉资同城化发展”战略机遇,聚力制造强市,建设成都都市圈高质量发展新兴城市。

新华社 发

## 香港科技园深圳分园将于下半年投入服务

新华社香港7月6日电 香港科技园公司6日宣布,该公司的香港科技园深圳分园将于今年下半年分阶段投入服务,以配合香港未来发展及持续增长的科创需求。香港特区行政长官李家超在致辞时表示,深圳分园将培育初创人才及支援科技企业走向全球。

李家超表示,现在香港的初创企业已经增至约4000家,并见证了很多家“独角兽”企业的诞生。新一届特区政府将持续投资科创,全面积极融入国家发展大

局。特区政府正推进在落马洲河套地区的港深创新及科技园建造工程,期望与深圳科创园区组成深港科技创新合作区。

据介绍,特区政府于2001年成立的科技园每天为1000多家企业提供一站式服务,目前由科技园营运的香港科技园和创新中心共有超过1.1万名科研人员。

香港科技园公司主席查毅超表示,香港科技园深圳分园将协助科创企业人才引进来、走出去,加快港深两地融合。他相

信,在国家支持下,香港的多元经济将茁壮成长,为年轻人带来无限机遇,壮大科创生态圈的人才库。科技园将发挥香港独特的优势,致力实现香港成为国际科创中心的远景。

位于深圳福田的香港科技园深圳分园占地达3.1万平方米,两幢大楼为伙伴企业提供办公室、实验室、共享工作空间、会议及展览场地和其他园区设施。该园将设立“大湾区科创飞跃学院”,为区内科创人才提供资源、培训和交流平台。

## 导致疫情传播

## 上海一娱乐场所被立案调查

新华社上海7月6日电(记者袁全、孙丽萍)记者从7月6日举行的上海市新冠肺炎疫情防控工作新闻发布会上获悉,7月5日,上海新增24例阳性感染者,均在隔离管控中通过例行检查发现,且与被列为高风险区的普陀区兰溪路148号有关。据通报,该场所未服从上海市规定,擅自开展经营活动,且未严格落实疫情防控措施,导致疫情传播,相关部门已对其涉嫌违法违规的行为立案调查。

上海市普陀区副区长徐树杰介绍,兰溪路148号发生疫情以后,普陀区第一时间成立调查组开展调查。调查发现,上海曹港娱乐有限公司(自由港量贩KTV),经营地址位于上海市普陀区兰溪路148号4楼,经营范围为卡拉OK包房。在上海市常态化疫情防控阶段KTV等娱乐场所尚未准许营业的情况下,该企业虽承诺服从上海市规定,却擅自开展经营活动,且未严格落实疫情防控措施,导致疫情传播。

上海市普陀区耕耘茶室(K菜米唱吧),经营地址位于上海市普陀区兰溪路148号3楼,经营范围为食品销售(含瓶装酒)。该商户擅自从事娱乐场所经营活动,且未严格落实疫情防控措施,导致疫情传播。

徐树杰表示,目前,普陀区有关部门已对上述企业、商户涉嫌违法违规的行为立案调查,将根据调查结果,依据有关法律法规严肃追究相应责任。

上海市文化旅游局副局长金雷表示,6月以来,上海娱乐行业,如KTV、游艺、网吧、密室剧本杀、棋牌室等场所恢复开放意愿强烈,市场需求旺盛。但此类场所多为密闭空间,主体管理水平不一,恢复开放存在一定防疫风险。鉴于目前疫情防控形势,上海市文化旅游局正在积极与防控部门、属地政府和相关委办局沟通协调,在进行风险评估和听取专家意见后,KTV场所暂缓开放,其他场所根据各区疫情防控形势,严而有序逐步开放。

## 新型H5N1禽流感病毒

## 我国科学家揭示进化全貌

新华社哈尔滨7月6日电(记者闫睿)记者5日从中国农业科学院哈尔滨兽医研究所获悉,该所研究员、中国科学院陈化兰院士团队在H5N1亚型高致病性禽流感病毒研究方面取得重要进展,系统阐明了目前在全球肆虐的H5N1禽流感病毒的起源、进化和时空传播特征,并对我国监测到的H5N1病毒进行了系统的生物学研究。

研究发现,目前流行的H5N1病毒于2020年10月在欧洲国家出现,是由H5N8禽流感病毒与H1N1及H3N8等亚型禽流感病毒重配而来。2020年10月至2021年8月,该新型H5N1病毒在西欧、北欧和东欧多国的家禽和野鸟中流行,并传播至多个非洲国家。2021年9月起在欧洲引起禽流感大暴发,并传播到亚洲和北美洲多个国家。

2021年9月至2022年3月,设立在哈尔滨兽医研究所的国家禽流感参考实验室在全国范围内采集了26767份野鸟和家禽样品,从中分离到13株H5N1病毒。为探究这些新传入我国的H5N1病毒的来源,研究人员对全球233株H5N1亚型代表毒株进行了系

统的遗传演化和时空传播分析,发现目前全球流行的H5N1病毒自2020年10月首次在欧洲国家出现以来,在自然界中与多种野鸟源禽流感病毒进行了复杂的基因片段重配,形成了16种不同的基因型。我国监测到4种基因型。

团队介绍,由于疫苗免疫的保护作用,这些全球流行的H5禽流感病毒,虽由野鸟传入我国,但对我国国家禽未造成实质危害。

陈化兰院士团队通过抗原性分析发现,我国目前使用的H5-Re14疫苗毒株与其抗原性匹配良好,证明H5和H7三价禽流感灭活疫苗可有效阻断此类H5N1病毒入侵免疫家禽。鉴于此类H5N1病毒在全球野鸟中广泛分布,团队成员呼吁高风险国家对家禽进行H5亚型禽流感疫苗免疫,有效阻断病毒由野鸟传播进入家禽,从而有效降低其对人类健康带来的威胁。

该研究得到国家自然科学基金、国家重点研发计划、中国农业科学院科技创新工程等项目资助,相关研究结果发表在《新发病原体与感染》杂志上。